

At NAIST, Nara, Japan
October 10 – October 23, 2012

李雄



研究方向：
全基因组关联研究

Workshop presentation:
GWAS based on Stitching together Multiple
Data Dimensions.

Labstay project:
RNA-seq Analysis Using Next Generation
Sequencers for Expression of Secondary Metabolic
Pathways in Curcuma Longa(Turmeric).

NAIST 之行有感:

首先，我非常感谢研讨会所有相关领导、老师及工作人员所付出的努力，因为你们细心、周到、有序的安排，让我此次 NAIST 之行受益匪浅。NAIST 环境优美、学术气息浓厚，同学老师之间亦师亦友，学习时，老师耐心得指导学生，就餐时，老师和学生开怀大笑。在这个陌生的环境里，NAIST 人的善意使我感觉不到任何的不适。

为期一个星期的 Labstay，计算系统生物实验室为我准备了一个非常实用的工程。通过小野直亮老师耐心地指导，我顺利地做完了这个工程，并且收益良多。通过这个工程，我不仅了解了系统生物学的重要基础知识，而这些是我自己相关研究课题的重要补充，同时，NAIST 研究人员的研究态度以及研究方法对我的学术价值观有了积极的影响。整个实验室人员之间和睦相处、互帮互助，实验室环境干净整洁、设施齐全，大大提高了科研人员的效率。

交流会期间的两个周末，游览了奈良、京都等风景名胜，见识到了独特、迷人的异国风情。同时，在日本，我见识到了日本人的优异的品质，他们待人和善，更为重要的是，他们对于自然环境有着非常的责任感。他们保护环境的态度以及措施一定是值得我们尊敬以及学习的。

总而言之，我非常享受此次 NAIST 之行。Its' a nice trip!